

Accès à l'Union Portuaire Rouennaise



Comment venir ?

66 QUAI DE Boisguilbert – 76000 ROUEN – 02 35 88 54 00
Pour certain GPS indiquer 66 Boulevard de Boisguilbert
Parking gratuit

Vous venez de la gare

- Prendre Métro, descendre arrêt «Théâtre des Arts»
- Puis prendre TEOR, descendre arrêt « Jean Ango »

Retrouvez le plan d'accès sur le site de l'UPR : http://www.uprouen.org/pdf/plan_acces_upr.pdf

Retenez dès aujourd'hui les dates des
7^{èmes} journées scientifiques
du Cancéropôle Nord-Ouest qui se
dérouleront à Deauville du mercredi 14
au vendredi 16 mai 2014.



www.cancerpole-nordouest.org



Programme

Séminaire d'Animation de l'Axe 1 du Cancéropôle Nord-Ouest

« Le Séquençage de Nouvelle
Génération dans le
Cancéropôle Nord-Ouest :

Evolution, Résultats, Projets »

Rouen, le vendredi 6 déc 2013

Amphithéâtre Union Portuaire Rouennaise, 66 Quai de Boisguilbert, Rouen

Inscription gratuite et obligatoire
sur le site du Cancéropôle Nord-Ouest
www.cancerpole-nordouest.org

Organisateur: *Thierry Frebourg*



Développer les synergies

Recherche | Innovations | Traitements

- 9h00 - 9h30** ⇒ **Le NGS en 2013**
Thierry Frebourg, Inserm U1079 et Fédération de Génétique, Rouen
- 9h30 - 10h00** ⇒ **Expérience caennaise du séquençage à haut débit à visée diagnostique d'un panel de gènes de prédisposition aux cancers du sein et de l'ovaire**
Laurent Castéra, Plateforme SéSAME CRLCC François Baclesse, Caen
- 10h00 - 10h30** ⇒ **Apports du séquençage haut-débit par capture de gènes dans le diagnostic moléculaire des prédispositions héréditaires au cancer du colon**
Julie Tinat, Fédération de Génétique, Plateforme de Génomique de Rouen
- 10h30 - 10h45** Pause
- 10h45 - 11h15** ⇒ **Mise en évidence de mutations en mosaïque du gène VHL par NGS sur Roche 454**
Pascal Pigny, CHRU de Lille et Université de Lille 2 - Inserm U837
- 11h15 - 11h45** ⇒ **Stratégie d'interprétation des mutations de novo identifiées par séquençage d'exomes de trio**
Isabelle Tournier, Inserm U1079, Plateforme de Génomique de Rouen
- 11h45 - 12h15** ⇒ **Présentation de la routine diagnostique NGS en hématologie**
Sandrine Geffroy, CHU de Lille
- 12h15 - 12h45** ⇒ **Détection de la maladie résiduelle dans les leucémies aiguës myéloblastiques t(8;21) basée sur la quantification du produit de fusion RUNX1-RUNX1T1 à partir de l'ADN génomique**
Nicolas Duployez, Faculté de Pharmacie et CHRU de Lille

12h45 - 13h45 Déjeuner

- 13h45 - 14h05** ⇒ **Outils bioinformatiques destinés à la recherche de CNV par séquençage à haut débit**
Antoine Rousselin, Plateforme SéSAME CRLCC François Baclesse, Caen
- 14h05 - 14h25** ⇒ **Une base pour archiver, comparer, évaluer et valider les variants dans une pratique diagnostique**
Chadi Saad, Université de Lille 2 et CHRU de Lille
- 14h25 - 14h45** ⇒ **Café Variome, un système d'échange de variants**
André Blavier, Interactive Biosoftware
- 14h45 - 15h05** ⇒ **Cartographie des altérations des récepteurs tyrosine kinase dans les cancers colorectaux et leurs métastases**
David Tulasne, CNRS UMR8161, Université de Lille1 et Institut Pasteur de Lille
- 15h05 - 15h25** ⇒ **Etude phylogénétique de mutations dans les cancers métastatiques**
Emilie Angot, Laboratoire de Génétique Somatique des Tumeurs et Inserm U1079, Plateforme de Génomique de Rouen
- 15h25 - 15h45** Pause
- 15h45 - 16h05** ⇒ **Transcriptome ciblé comparatif des tissus mammaires et leucocytaires des gènes de prédisposition héréditaire des cancers du sein et ou de l'ovaire par séquençage à haut débit**
Grégoire Davy, Plateforme SéSAME CRLCC François Baclesse, Caen
- 16h05 - 16h25** ⇒ **Analyse transcriptomique par RNAseq ciblé des gènes de prédisposition au cancer**
Alexandra Martins, Inserm U1079, Rouen
- 16h25 - 16h45** ⇒ **Synthèse et perspectives**
Thierry Frebourg

Inscription gratuite mais obligatoire sur
www.canceropole-nordouest.org

